

Réception des échantillons, CDEVQ
Service de diagnostic
Faculté de médecine vétérinaire
Université de Montréal, 3220, rue Sicotte
Saint-Hyacinthe, Québec, Canada J2S 2M2

Rapport d'analyse ADN

Nom : Canterbury Rolls-Royce Merlin
Race: Épagneul Cavalier King Charles **Sexe:** mâle **Age:** 2 ans 7 mois
I.D. : 956000006147270
Dossier : 1143467
Propriétaire : Jean-Philippe Poisson
Adresse : 608 rue Des Rouges-Gorges, Saint-Lambert de Lauzon, Québec. G0S 2W0
Téléphone : 418-802-4250
Courriel : info@gordonsetter.ca

Reçu le : 2020-11-27
Analyse : 2020-12-02
Échantillon : 2430058
Cas : M436-21

Analyse de Macrothrombocytopénie congénitale (gène *TUBB1* ; c.745 G>A, exon5)

Résultat : **M/N**

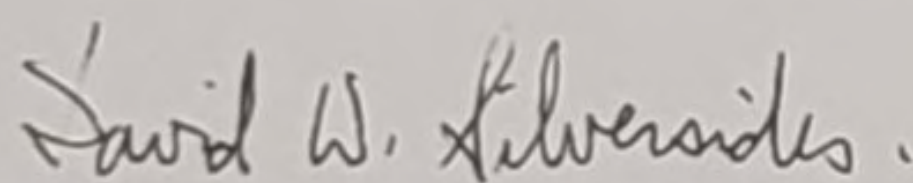
Interprétation des codes :

- N/N** Homozygote normal du gène *TUBB1* (deux copies normales)
M/N Hétérozygote de la mutation du gène *TUBB1* (une copie normale, une copie mutée)
M/M Homozygote de la mutation du gène *TUBB1* (deux copies mutées)

N/N Homozygote (« clear ») : L'animal est homozygote normal pour le gène *TUBB1*. L'animal ne présente pas de risque d'avoir les symptômes de macrothrombocytopénie congénitale. Si l'animal est utilisé pour la reproduction, il transmettra le gène normal à 100% de sa descendance.

M/N Hétérozygote (porteur) : L'animal est hétérozygote (porteur) pour la mutation du gène *TUBB1*. L'animal ne présente pas de risque d'avoir les symptômes de macrothrombocytopénie congénitale. Si l'animal est utilisé pour la reproduction, il transmettra la mutation à 50% (en moyenne) de sa descendance.

M/M Homozygote (à risque) : L'animal est homozygote muté pour le gène *TUBB1*. L'animal présente un risque d'avoir les symptômes de macrothrombocytopénie congénitale. Si l'animal est utilisé pour la reproduction, il transmettra la mutation à 100% de sa descendance.



Dr. David W. Silversides, DMV, PhD

Réception des échantillons, CDEVQ
Service de diagnostic
Faculté de médecine vétérinaire
Université de Montréal, 3220, rue Sicotte
Saint-Hyacinthe, Québec, Canada J2S 2M2

Rapport d'analyse ADN

Nom : Canterbury Rolls-Royce Merlin
Race: Épagneul Cavalier King Charles **Sexe:** mâle **Age:** 2 ans 6 mois
I.D. : microchip # 956000006147270
Dossier : # enr 1143467
Propriétaire : Jean-Philippe Poisson
Adresse : 608 rue Des Rouges-Gorges, Saint-Lambert de Lauzon, Québec. G0S 2W0
Téléphone : 418-802-4250
Courriel : info@gordonsetter.ca

Reçu le : 2020-10-06
Analyse : 2020-10-13
Échantillon : 2409106
Cas : M416-1200

Analyse de la myélopathie dégénérative (gène *SOD1*, c.118 G>A, exon2)

Résultat :

M/N

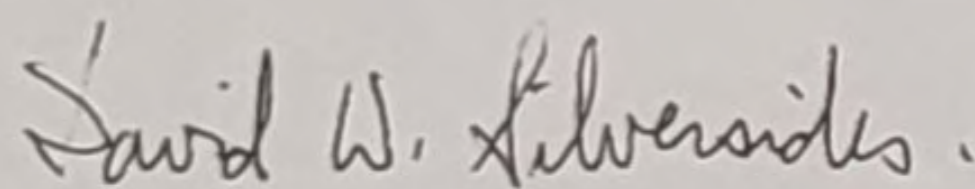
Interprétation des codes :

- N/N** Homozygote normal du gène *SOD1* (deux copies normales)
- M/N** Hétérozygote de la mutation du gène *SOD1* (une copie normale, une copie mutée)
- M/M** Homozygote de la mutation du gène *SOD1* (deux copies mutées)

N/N Homozygote (« clear ») : L'animal est homozygote normal pour le gène *SOD1*. L'animal ne présente pas de risque d'avoir les symptômes de myélopathie dégénérative. Si l'animal est utilisé pour la reproduction, il transmettra le gène normal à 100% de sa descendance.

M/N Hétérozygote (porteur) : L'animal est hétérozygote (porteur) pour la mutation du gène *SOD1*. L'animal ne présente pas de risque d'avoir les symptômes de myélopathie dégénérative. Si l'animal est utilisé pour la reproduction, il transmettra la mutation à 50% (en moyenne) de sa descendance.

M/M Homozygote (à risque) : L'animal est homozygote muté pour le gène *SOD1*. L'animal présente un risque d'avoir les symptômes de myélopathie dégénérative. Si l'animal est utilisé pour la reproduction, il transmettra la mutation à 100% de sa descendance.



Dr. David W. Silversides, DMV, PhD

Réception des échantillons, CDEVQ
Service de diagnostic
Faculté de médecine vétérinaire
Université de Montréal, 3220, rue Sicotte
Saint-Hyacinthe, Québec, Canada J2S 2M2

Rapport d'analyse ADN

Nom : Canterbury Rolls-Royce Merlin
Race: Épagneul Cavalier King Charles **Sexe:** mâle **Age:** 2 ans 6 mois
I.D. : microchip # 956000006147270
Dossier : # enr 1143467
Propriétaire : Jean-Philippe Poisson
Adresse : 608 rue Des Rouges-Gorges, Saint-Lambert de Lauzon, Québec. G0S 2W0
Téléphone : 418-802-4250
Courriel : info@gordonsetter.ca

Reçu le : 2020-10-06
Analyse : 2020-10-13
Échantillon : 2409106
Cas : M478-49

Analyse de Syndrome de chute épisodique (gène *BCAN* ; dél.15,7kb, exon1,2,3)

Résultat :

N/N

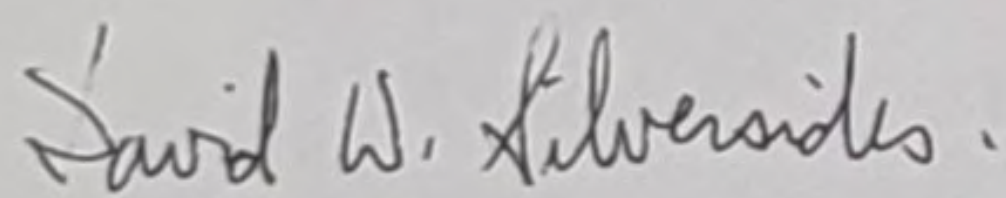
Interprétation des codes :

- N/N** Homozygote normal du gène *BCAN* (deux copies normales)
M/N Hétérozygote de la mutation du gène *BCAN* (une copie normale, une copie mutée)
M/M Homozygote de la mutation du gène *BCAN* (deux copies mutées)

N/N Homozygote (« clear ») : L'animal est homozygote normal pour le gène *BCAN*. L'animal ne présente pas de risque d'avoir les symptômes du syndrome de chute épisodique. Si l'animal est utilisé pour la reproduction, il transmettra le gène normal à 100% de sa descendance.

M/N Hétérozygote (porteur) : L'animal est hétérozygote (porteur) pour la mutation du gène *BCAN*. L'animal ne présente pas de risque d'avoir les symptômes du syndrome de chute épisodique. Si l'animal est utilisé pour la reproduction, il transmettra la mutation à 50% (en moyenne) de sa descendance.

M/M Homozygote (à risque) : L'animal est homozygote muté pour le gène *BCAN*. L'animal présente un risque d'avoir les symptômes du syndrome de chute épisodique. Si l'animal est utilisé pour la reproduction, il transmettra la mutation à 100% de sa descendance.



Dr. David W. Silversides, DMV, PhD